

DNAの塩基配列・タンパク質のアミノ酸配列のアライメントやデータベース検索を高速に行う汎用的配列解析ソフトウェア

# BLAST

Basic Local Alignment Search Tool

ソフトウェアの快適な動作に  
お勧めのワークステーション



BLAST (Basic Local Alignment Search Tool) は、バイオインフォマティクスでDNAの塩基配列あるいはタンパク質のアミノ酸配列のシーケンスアライメントを行うための汎用的配列解析ソフトウェアです。莫大な情報量を快適に処理するためには、高性能なプロセッサと大容量のメモリが必要になります。

▶ **だからこそゲノム解析には、高い処理能力と大容量のメモリ、安定性と耐久性を兼ね備えたアプライドのHPCが最適です!**

**intelの最新CPU、Core Ultra9を搭載! 圧倒的な性能と高い耐久性を両立したエキスパート向けワークステーション!**



- OS: Ubuntu 24.04 LTS インストール代行
- CPU: intel Core Ultra 9 285 (24コア/24スレッド)
- メモリ: 128GB (32GB×4) DDR5-6400
- SSD: 1TB M.2 NVMe SSD (R:3430MB/s, W:3000MB/s) 24時間365日常時稼働対応)
- HDD(増設): 8TB (7200rpm, 高耐久仕様)
- GPU: NVIDIA® RTX™ A400 4GB-GDDR6 (miniDisplayPort x4) 768 コア
- 無線LAN: 搭載 802.11ax Wi-Fi 6E
- 電源: 650W (80Plus GOLD認証)

1年間  
センドバック方式  
ハードウェア保証

Be-Clia Linux Type-TU2-9

**483,500** 税込  
円